

## การพัฒนาเครื่องหมาย SCAR เพื่อใช้ในการจำแนกลำไยลูกผสมระหว่างพันธุ์ดอ 27 กับสีชมพู

Development of SCAR (Sequence Characterized Amplified Region) Marker for Identification of F<sub>1</sub> Hybrid Longan (*Dimocarpus lonyan* Lour.) 'Do 27 X Si-Chomphu'

จันทร์เพ็ญ สระระ<sup>1</sup>, จันทนา วิชรรัตน์<sup>2</sup>, ธีรนุช เจริญกิจ<sup>3</sup> และ แสงทอง พงษ์เจริญกิจ<sup>1\*</sup>

Junpen Sara<sup>1</sup>, Chantana Witcharat<sup>2</sup>, Teranuch Chareankit<sup>2</sup> and Saengtong Pongjareankit<sup>1\*</sup>

<sup>1</sup>สาขาวิชาพันธุศาสตร์ คณะวิทยาศาสตร์; <sup>2</sup>สาขาวิชาพืชผัก คณะผลิตกรรมการเกษตร; <sup>3</sup>สาขาวิชาไม้ผล คณะผลิตกรรมการเกษตร มหาวิทยาลัยแม่โจ้ เชียงใหม่ 50290

<sup>1</sup>Program in Genetics; <sup>2</sup>Division of Vegetable Technology, Faculty of Agriculture Production; <sup>3</sup>Division of Pomology Technology, Faculty of Agriculture Production, Maejo University, Chiang Mai 50290

\*Corresponding author: Saengtong@mju.ac.th

### บทคัดย่อ

ลำไยเป็นพืชเศรษฐกิจที่สำคัญของบริเวณภาคเหนือตอนบนของประเทศไทย พันธุ์ที่นิยมปลูก คือ พันธุ์ดอ โดยมีพื้นที่เพาะปลูกร้อยละ 79 ของพื้นที่ทั้งหมด ทำให้สายพันธุ์ลำไยมีความหลากหลายทางพันธุกรรมต่ำ จึงควรมีการปรับปรุงพันธุ์ลำไย แต่เนื่องจากการปรับปรุงพันธุ์ไม้ผลต้องใช้เวลายาวนาน จึงมีแนวคิดในการพัฒนาเครื่องหมายโมเลกุลเพื่อใช้คัดเลือกลูกผสม ในงานวิจัยนี้จึงพัฒนาเครื่องหมาย SCAR มาช่วยในการคัดเลือกลูกผสมระหว่างลำไยพันธุ์ดอ 27 กับสีชมพู โดยเริ่มจากการคัดเลือก RAPD ไพร์เมอร์ จำนวน 50 ไพร์เมอร์ พบว่าไพร์เมอร์ N-04 และไพร์เมอร์ BPS 5 แสดงแถบที่แตกต่างระหว่างพันธุ์ลำไย แยกบริสุทธิ์แถบดีเอ็นเอจากลำไยสีชมพูแล้วสร้างดีเอ็นเอสายผสม แล้วส่งดีเอ็นเอสายผสมที่ได้ไปหาลำดับดีเอ็นเอ เพื่อนำมาใช้ออกแบบไพร์เมอร์ ซึ่งจะจำเพาะกับลำไยพันธุ์สีชมพู โดยจะให้ผลผลิต PCR ขนาดประมาณ 200 คู่เบส เครื่องหมาย SCAR นี้สามารถใช้ในการจำแนกลำไยพันธุ์สีชมพูและลูกผสมของพันธุ์สีชมพูได้

### ABSTRACT

Longan (*Dimocarpus longan* Lour.) is commercially important crop in the northern part of Thailand. 'Do' variety has been popular, mostly grown about 79 % of growing areas. This causes low genetic diversity of longan. However, breeding program of longan typically takes a long time. Therefor, molecular markers be developed to select F<sub>1</sub> hybrid. This study would develop SCAR marker for selection of F<sub>1</sub> hybrid of longan 'Do 27 X Si-Chomphu'. Fifty RAPD primers were screened and two primers (N-04 and BPS 5) showed polymorphic bands from Si-Chomphu. These bands were purified and cloned into the vector. Recombinant clones were sequenced. The DNA sequences were used for desining primer, which were specific to Si-Chomphu. The PCR products of these 2 primer pairs were 200 bp bands were used as the SCAR markers. These SCAR markers could distinguish Si-Chomphu and F<sub>1</sub> hybrid from Do 27 x Si-Chomphu.

**คำสำคัญ:** ลำไย, เครื่องหมาย SCAR, ลำไยลูกผสม

**Keywords:** longan, SCAR marker, F<sub>1</sub> hybrid longan

## บทนำ

ลำไยเป็นพืชเศรษฐกิจที่ปลูกมากบริเวณภาคเหนือตอนบน ทำรายได้ให้แก่ประเทศไทยไม่ต่ำกว่าปีละ 6,000 ล้านบาท โดยพันธุ์อีดอได้รับความนิยมสูงสุด พบว่ามีพื้นที่เพาะปลูกคิดเป็นร้อยละ 79 ของพื้นที่ทั้งหมด (ศูนย์วิจัยพืชสวนเชียงราย, 2555) เนื่องจากเป็นพันธุ์เบาออกดอกเร็ว สามารถจำหน่ายได้ทั้งผลสดและผลิตภัณฑ์แปรรูป (พาวินและคณะ, 2546) ส่วนพันธุ์สีชมพูเป็นลำไยที่มีรสชาติดีนิยมรับประทานภายในประเทศ แต่ไม่ทนแล้ง เป็นพันธุ์ที่ตอบสนองต่อสารไฟโทเอสเซียมคลอไรด์ได้ดี แต่ต้นมักจะโทรม หรือบางครั้งอาจจะยืนต้นตายเมื่อติดผลดก (พาวินและคณะ, 2546)

การปรับปรุงพันธุ์ไม้ผลต้องใช้เวลายาวนาน เนื่องจากต้นที่ปลูกจากเมล็ดมีระยะเยาว์วัย (juvenile) นาน ซึ่งอาจใช้เวลาถึง 10 ปี จึงจะเริ่มออกดอกครั้งแรก (พาวินและคณะ, 2546) ทำให้ยากต่อการคัดเลือกจากลักษณะทางกายภาพ จึงทำให้มีแนวคิดในการพัฒนาเครื่องหมาย SCAR (Sequence characterized amplified region) เพื่อใช้คัดเลือกลูกผสมในการปรับปรุงพันธุ์ลำไย ในงานวิจัยนี้จะนำเครื่องหมายโมเลกุลมาช่วยในการคัดเลือกลูกผสมของลำไยพันธุ์อีดอ 27 กับสีชมพูที่เกิดจากการผสมข้ามพันธุ์ โดยเริ่มจากเทคนิค Random Amplified Polymorphic DNA (RAPD) เนื่องจากเป็นเทคนิคที่ไม่จำเป็นต้องทราบข้อมูลเกี่ยวกับลำดับเบสของดีเอ็นเอเป้าหมาย ไพร์เมอร์ที่ใช้ไม่จำเพาะเจาะจงกับดีเอ็นเอบริเวณใด แต่เทคนิคนี้ก็มีข้อเสียคือทำซ้ำแล้วให้ผลไม่เหมือนเดิม (สุรินทร์, 2552) จากนั้นทำการตัดแถบดีเอ็นเอที่แตกต่างไปวิเคราะห์ลำดับดีเอ็นเอ และนำลำดับดีเอ็นเอที่ได้มาใช้ในการออกแบบไพร์เมอร์ใหม่ที่จำเพาะเจาะจงกับสายพันธุ์ ซึ่งจะใช้เครื่องหมายโมเลกุลในการคัดเลือกลูกผสมทำให้ประหยัดงบประมาณและเวลาในการดูแลรักษาต้นกล้าในการปรับปรุงพันธุ์ลำไยให้หน่อยลง เพราะสามารถคัดเลือกได้ตั้งแต่ระยะต้นกล้า (อรรถน์, 2548)

## อุปกรณ์และวิธีการ

### 1. ตัวอย่างลำไย

พันธุ์ลำไยที่ใช้ในการศึกษา จำนวน 10 พันธุ์ ได้แก่ ดอกก้านแข็ง, ออ 13, ออ 27, ดอกก้านแดง, ดอกลุ่มน้ำปิง, ดอยอดอ่อน, สีชมพู, เบี้ยวเขียวเชียงใหม่, พวงทอง และโคฮาล่า

### 2. การสกัดดีเอ็นเอของจีโนม

นำใบอ่อนของลำไยมาสกัดดีเอ็นเอ โดยใช้วิธี CTAB ดัดแปลง (Hwang and Kim, 2000)

### 3. การคัดเลือกไพร์เมอร์จากเทคนิค RAPD

นำดีเอ็นเอที่สกัดได้มาใช้ในการเทคนิค RAPD เพื่อคัดเลือกไพร์เมอร์ที่เหมาะสม โดยใช้ไพร์เมอร์ H01-H20, N01-N20, BPS1-BPS9 และ LA1-LA2 จำนวน 50 ไพร์เมอร์ สภาวะที่ใช้ คือ 94 °C 4 นาที จากนั้นทำ 44 รอบของ 94 °C 30 วินาที, 37 °C 60 วินาที และ 72 °C 90 วินาที แล้ว 72 °C นาน 7 นาที วิเคราะห์ผลผลิต PCR ด้วย 1.5% agarose gel electrophoresis

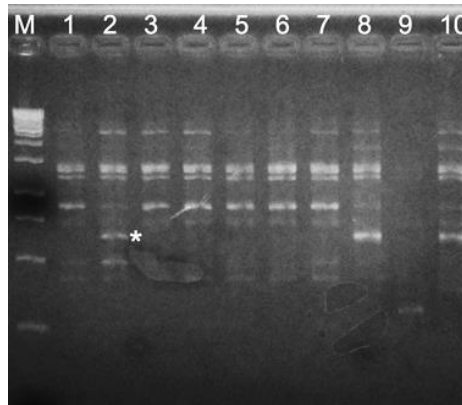
### 4. การพัฒนาเครื่องหมาย Sequence characterized amplified region (SCAR)

จากเทคนิค RAPD เลือกตัดแถบดีเอ็นเอที่แสดง polymorphism แล้วแยกบริสุทธิ์ด้วย PureLink® Quick Gel Extraction Kit (Invitrogen, USA) สร้างดีเอ็นเอสายผสม โดยใช้ pGEM-T Easy kit (Promega, USA) และถ่ายฝากดีเอ็นเอสายผสมเข้าเซลล์แบคทีเรีย *E. coli* คัดเลือกโคลนที่มีดีเอ็นเอสายผสมด้วยสีของโคโลนี และการตัดด้วยเอนไซม์ตัดจำเพาะ ส่งดีเอ็นเอสายผสมไปหาลำดับดีเอ็นเอที่บริษัท 1<sup>st</sup> BASE (Malaysia) ลำดับดีเอ็นเอที่ได้จะใช้ในการออกแบบไพร์เมอร์ที่จำเพาะต่อพันธุ์ลำไย โดยใช้โปรแกรม Primer 3 จากนั้นนำไพร์เมอร์ที่ออกแบบได้ มาทดสอบกับลำไยลูกผสม F<sub>1</sub> ด้วยเทคนิค PCR โดยใช้สภาวะเป็น 94 °C 4 นาที จากนั้นทำ 44 รอบของ 94 °C 30 วินาที, 60 °C 30 วินาที และ 72 °C 30 วินาที แล้ว 72 °C นาน 7 นาที วิเคราะห์ผลผลิต PCR ด้วย 1.5% agarose gel electrophoresis

**ผลการทดลองและวิจารณ์**

**1. การคัดเลือกไพรเมอร์จากเทคนิค RAPD**

จากการคัดเลือกไพรเมอร์จำนวน 50 ไพรเมอร์ พบว่าไพรเมอร์ N-04 และไพรเมอร์ BPS5 แสดงแถบที่แตกต่างระหว่างลำไย 10 สายพันธุ์ จำนวนไพรเมอร์ละ 1 แถบ ตัวอย่างดังรูปที่ 1 ไพรเมอร์ NO4 แสดงแถบดีเอ็นเอที่มี polymorphism ของลำไยพันธุ์ชมพู จากลำไยพันธุ์อื่นๆ (รูปที่ 1\*) ซึ่งแถบนี้จะแยกบริสุทธิ์จากลำไยพันธุ์สีชมพู เพื่อใช้พัฒนาเครื่องหมาย SCAR ต่อไป



**รูปที่ 1** ผล 1.5 % agarose gel electrophoresis ของไพรเมอร์ N04 โดยที่ ช่อง M คือ GeneRuler™ 1 Kb DNA Ladder (Fermentas) ช่อง 1-10 คือ ผลผลิตจากดีเอ็นเอลำไยพันธุ์ ดอกก้านแข็ง, สีชมพู, ดอก 27, ดอกก้านแดง, ดอกลุ่มน้ำปิง, ดอกยอดอ่อน, ดอก 13, เบี้ยวเขียวเชียงใหม่, โคสาล่า และพวงทอง ตามลำดับ แถบที่ \* คือ แถบที่แสดง polymorphism

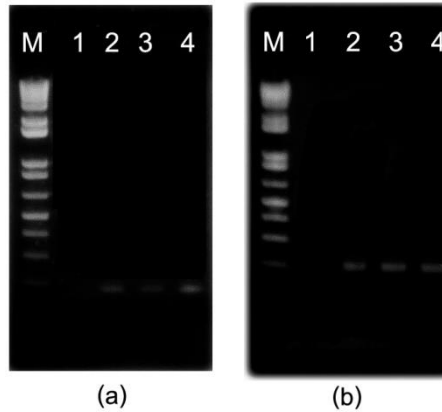
**2. การพัฒนาเครื่องหมาย SCAR**

ดีเอ็นเอสายผสมที่ได้จากแถบดีเอ็นเอจากไพรเมอร์ N-04 และ BPS 5 จะส่งไปหาลำดับดีเอ็นเอจำนวน 3 โคลนต่อแถบ พบว่าโคลนจากไพรเมอร์ N-04 มีลำดับดีเอ็นเอเหมือนกันทั้ง 3 โคลน ส่วนโคลนจากไพรเมอร์ BPS 5 มีลำดับดีเอ็นเอเหมือนกัน 2 โคลน (ไม่แสดงข้อมูล) เลือกลำดับดีเอ็นเอที่เหมือนกันไปใช้ออกแบบไพรเมอร์ ได้เป็นไพรเมอร์ ดังตารางที่ 1 ซึ่งไพรเมอร์ทั้ง 2 คู่นี้จำเพาะกับลำไยพันธุ์สีชมพูและให้ผลผลิต PCR ขนาดประมาณ 200 คู่เบส

เมื่อนำไพรเมอร์ที่ออกแบบได้มาทดสอบคัดเลือกลูกผสมจะพบว่าไพรเมอร์ทั้งสองคู่ให้แถบดีเอ็นเอจากลำไยสีชมพูเท่านั้น ส่วนดอก 27 นั้นจะไม่พบแถบดีเอ็นเอ จากรูปที่ 2 แสดงว่าไพรเมอร์ทั้ง 2 คู่นี้สามารถใช้จำแนกลูกผสมระหว่างลำไยพันธุ์ดอก 27 (ต้นแม่) กับ สีชมพู (ต้นพ่อ) ได้ ซึ่งผลการคัดเลือกนี้สอดคล้องกับการคัดเลือกลูกผสมด้วยไพรเมอร์ N05 ในเทคนิค RAPD (ไม่แสดงข้อมูล) โดยเครื่องหมาย SCAR จะแสดงผลแม่นยำกว่าเทคนิค RAPD ที่มีการเกิดแถบจำนวนมากและไม่คงตัว ดังที่พบในการศึกษาของ Sitthiphrom และคณะ (2005) ที่ใช้เทคนิค RAPD ในการคัดเลือกลูกผสมของลำไยระหว่างพันธุ์ดอกกับใบดำ, พันธุ์ดอกกับเบี้ยวเขียว และพันธุ์เบี้ยวเขียวกับใบดำ และ Cutler และคณะ (2006) ได้พัฒนาเครื่องหมาย SCAR จากไพรเมอร์ H-04 ที่มีความจำเพาะกับพันธุ์ลำไยที่สามารถออกดอกได้ โดยไม่ต้องใช้อุณหภูมิต่ำชักนำให้ออกดอก ผลผลิต PCR ขนาดประมาณ 275 คู่เบส

**ตารางที่ 1** ลำดับดีเอ็นเอของไพรเมอร์ที่จำเพาะกับลำไยสีชมพูที่ออกแบบได้

แถบดีเอ็นเอ	ชื่อไพรเมอร์	ลำดับดีเอ็นเอ (5' ไป 3')
BPS 5	L71	F : TGTCCGGTTCATTTCCATT R : CGCATGTGCTCTCATTGTT
N-04	L81	F : TGTGCCAAATTGAAAGCAAA R : ACCGACCCACACTCATTT



**รูปที่ 2** ผลการทำ 1.5% agarose gel electrophoresis จากการทำ PCR โดยใช้ไพรเมอร์ L71 (a) ไพรเมอร์ L81 (b) โดยที่ ช่อง M คือ 1Kb Plus DNA Ladder (Invitrogen) ช่อง 1และ 2 คือ ดอ 27 (ต้นแม่) และสีชมพู (ต้นพ่อ) ส่วนช่อง 3 และ 4 คือ ลูกผสมระหว่าง ดอ 27 (ต้นแม่) กับ สีชมพู (ต้นพ่อ)

**สรุปผลการทดลอง**

จากการคัดเลือกไพรเมอร์ จำนวน 50 ไพรเมอร์ด้วยเทคนิค RAPD พบว่าไพรเมอร์ N-04 และไพรเมอร์ BPS5 แสดงแถบที่แตกต่างระหว่างพันธุ์ลำไย นำแถบที่แตกต่างมาแยกบริสุทธิ์จากลำไยพันธุ์สีชมพู สร้างเป็นดีเอ็นเอสายผสม ส่งไปหาลำดับดีเอ็นเอ แล้วนำไปใช้ออกแบบไพรเมอร์ที่ใช้เป็นเครื่องหมาย SCAR ไพรเมอร์ 2 คู่นี้จำเพาะกับลำไยพันธุ์สีชมพู โดยจะให้ผลผลิต PCR ขนาดประมาณ 200 คู่เบส และเครื่องหมาย SCAR ที่พัฒนาสามารถใช้ในการคัดเลือกลำไยลูกผสมระหว่างพันธุ์ดอ 27 และสีชมพูได้

**เอกสารอ้างอิง**

พาวิน มะโนชัย, ยุทธนา เขาสุเมรุ, ชิติ ศรีตันทิพย์ และสันติ ช่างเจรจา. เทคโนโลยีการผลิตลำไย. กรุงเทพฯ: สำนักพิมพ์พิสิทธ์เซ็นเตอร์. 126น. 2546.

ศูนย์วิจัยพืชสวนเชียงราย. เอกสารวิชาการลำไย. เชียงราย: อินเทอร์เน็ต. 20น. 2555. สุรินทร์ ปิยะโชคณากุล. เครื่องหมายดีเอ็นเอ:จากพื้นฐานสู่การประยุกต์. กรุงเทพฯ: สำนักพิมพ์มหาวิทยาลัยเกษตรศาสตร์. 269น. 2552.

อรรถัน มงคลพร. เครื่องหมายโมเลกุลเพื่อการปรับปรุงพันธุ์พืช. กรุงเทพฯ:จรัลสนิทวงศ์การพิมพ์. 95น. 2548.

Cutler, R.W., Sitthiphrom S, Marha J, Anuntalabhochai S. Development of Sequence-characterized DNA Marker toTemperature Insensitivity for Fruit Production n Longan (Dimocarpus longan Lour.) Cultivars. Agronomy and Crop Science. 2007; 193: 74-78.

Hwang, S.K. and Y.M. Kim. A Simple and reliable method for preparation of cross-contamination-free plant genome DNA for PCR-based detection of transgenes. J Biochem Mol Biol. 2000; 33: 537-546.

Sitthiphrom S, Anuntalabhochai S, Dum-ampai N, Thakumphu B, Dasanonda M. Investigation of genetic relationships and hybrid detection in longan by high annealing temperature RAPD. Acta Hort. 2005; 665: 161-170.